

Table 1. Mean values for 8 dimensions of all words (scale range 1-7)

Word No	ID word	Ambiguity	Abstraction	Imageability	Familiarity	Emotionality	Valence	Arousal	Dominance
1	NP1	5.80	3.51	4.95	6.08	6.34	6.14	3.52	5.17
2	AN1	5.25	3.89	3.75	5.69	2.43	4.18	3.55	4.62
3	AE1	6.05	2.98	4.66	5.49	4.31	2.58	4.91	4.54
4	AE2	6.12	2.80	5.46	5.83	5.98	2.22	5.48	3.57
5	NN1	6.26	2.89	5.40	5.40	2.86	2.25	5.25	4.17
6	NP2	6.35	2.22	6.06	6.31	4.28	5.40	4.34	5.02
7	NP3	6.38	2.83	5.54	6.22	6.34	6.15	4.51	5.35
8	AE3	6.31	2.60	4.94	5.88	5.63	2.52	5.28	4.03
9	NN2	5.97	2.58	5.25	5.55	6.14	1.68	5.69	3.51
10	AP1	6.25	2.72	4.97	6.23	4.57	6.03	2.58	5.63
11	AN2	5.03	3.83	3.74	4.51	3.60	4.34	3.68	4.78
12	AN3	6.34	2.66	5.23	6.09	3.26	5.15	3.38	4.91
13	AP2	6.17	2.88	5.17	5.95	4.97	5.17	5.06	5.05
14	AP3	6.06	3.02	4.86	6.05	5.66	5.83	2.26	5.40
15	NN3	6.17	2.66	5.22	5.94	6.43	1.74	5.49	3.49
16	NN4	6.14	3.09	5.31	5.94	5.15	2.05	5.22	3.63
17	NP4	6.14	3.57	5.52	6.03	5.83	5.97	3.49	5.49
18	NN5	6.05	2.92	4.60	5.85	5.60	2.29	5.06	3.95
19	NP5	6.17	3.34	4.85	5.95	5.88	6.03	3.63	5.52
20	NP6	5.85	3.60	5.46	6.12	5.15	6.02	2.34	5.54
21	NN6	6.18	3.20	4.71	5.77	5.48	2.11	5.71	4.09
22	AP4	5.80	3.28	4.14	5.97	5.03	5.82	3.60	5.35
23	AP5	5.92	3.26	4.66	5.65	5.43	6.02	3.66	5.31

24	NP7	6.43	2.66	6.06	6.45	4.62	5.86	4.18	5.52
25	AN4	6.00	3.46	4.49	5.77	3.68	4.20	4.00	5.17
26	AE4	5.92	3.25	4.46	5.49	5.58	2.15	5.40	3.88
27	AE5	6.23	2.60	5.66	6.02	6.37	2.18	6.03	3.95
28	NN7	5.85	3.60	4.71	5.86	4.46	2.55	5.17	3.97
29	AE7	6.06	3.05	4.55	5.85	4.54	2.20	5.34	4.08
30	AP6	5.91	3.51	5.18	5.98	4.06	5.74	3.77	5.20
31	NN8	6.32	2.92	5.28	6.12	6.42	1.94	5.22	3.95
32	AP7	5.98	3.49	5.14	5.74	5.71	6.09	2.31	5.37
33	NP8	6.18	3.32	4.94	6.11	5.40	5.77	4.26	5.20
34	AN5	6.03	3.35	5.00	5.94	2.91	4.22	3.23	4.77
35	AN1	6.26	3.14	4.74	5.85	2.98	4.58	3.91	5.18
36	AP8	5.75	3.80	5.20	5.81	3.80	5.39	3.38	5.16
37	AN7	5.27	4.17	4.00	5.33	3.17	3.88	4.50	4.58
38	NN9	6.08	3.22	4.69	6.02	6.05	2.31	5.67	3.97
39	NP9	6.16	3.34	5.47	5.98	5.48	6.11	4.67	5.61
40	AE7	6.13	3.50	5.50	5.77	5.41	2.31	5.73	3.50
41	AE8	5.61	3.38	4.31	4.95	4.97	2.33	5.50	3.72
42	AP9	6.06	3.36	5.13	5.94	5.47	5.78	2.38	5.42
43	AN8	6.16	2.94	5.14	5.95	3.75	4.63	3.80	4.56
44	NN10	6.23	2.73	5.23	5.52	4.42	1.95	5.95	3.69
45	AN9	4.84	4.45	3.55	5.95	2.86	4.19	4.17	4.67
46	AN10	5.91	3.36	4.42	5.88	3.41	4.52	3.69	5.25
47	NN11	6.28	2.88	5.34	6.05	5.95	2.33	4.72	4.22
48	AE9	6.27	3.16	4.81	5.91	5.20	2.16	5.70	4.25
49	AP10	5.92	3.39	4.88	5.95	4.92	5.91	4.59	5.30
50	NP1050	6.22	3.05	5.33	6.13	5.58	6.17	2.38	5.38
51	AE10	6.28	2.84	5.25	6.00	6.03	2.31	5.53	4.13

52	NN12	6.23	2.94	5.28	5.91	4.11	1.94	5.53	3.55
53	NP11	6.13	3.77	5.47	6.16	6.45	6.03	5.27	4.55
54	AE11	5.80	3.73	4.80	5.23	4.81	2.19	5.55	3.95
55	AP11	6.17	3.14	4.45	6.05	5.38	5.84	3.05	5.34
56	AN11	4.94	4.33	4.17	5.17	3.20	3.66	4.27	4.44
57	NN13	6.11	3.17	4.75	5.97	5.11	1.92	5.72	4.00
58	AP12	6.33	3.19	5.33	6.08	5.59	6.05	2.55	5.41
59	NP12	6.38	3.05	5.58	6.16	4.50	6.05	4.20	5.13
60	NN14	6.02	3.30	5.20	5.72	3.64	2.98	5.16	4.19
61	AE12	6.16	3.03	5.30	5.97	5.42	2.44	5.70	3.77
62	AE13	6.20	3.02	4.75	5.64	5.61	2.17	5.19	4.09
63	NP13	5.88	3.45	4.89	5.59	5.44	5.67	5.19	4.88
64	NP14	6.02	3.14	4.86	5.91	3.97	5.73	4.19	5.44
65	AN12	6.11	2.67	5.98	6.00	2.77	4.03	4.36	4.89
66	AP13	5.94	3.22	4.69	5.88	4.77	5.53	3.72	5.13
67	NN15	6.09	2.58	5.55	5.91	4.23	2.14	5.86	3.72
68	NP15	6.20	3.22	5.05	5.92	5.53	6.00	2.66	5.25
69	AN13	5.33	3.75	4.03	5.20	3.33	4.34	4.09	4.84
70	AE14	6.44	2.59	5.55	6.19	6.06	2.17	5.89	3.52
71	AP14	5.95	3.22	4.77	5.72	4.58	5.92	2.63	5.53
72	AN14	5.72	3.63	4.48	5.22	3.72	4.08	4.56	3.97
73	NP16	5.84	3.41	4.57	5.91	6.12	5.95	3.64	5.71
74	AN15	5.95	3.03	4.50	5.84	2.91	4.33	3.78	5.17
75	AN16	5.26	4.12	4.26	5.57	3.62	4.66	3.55	5.17
76	AP15	6.14	3.05	5.52	6.12	4.33	5.47	4.59	5.53
77	NP17	6.03	2.81	6.10	6.17	4.14	5.81	5.31	5.50
78	NN16	6.05	3.48	4.90	5.69	4.93	2.26	5.33	4.36
79	NN17	6.07	2.81	5.40	5.74	4.64	2.12	5.71	3.97

80	AP16	6.09	3.34	5.16	5.90	5.55	5.91	3.84	5.21
81	AE15	6.07	3.34	5.09	5.78	5.40	2.31	5.02	4.59
82	AN17	5.83	3.36	4.55	5.53	2.95	4.57	4.07	5.28
83	NP18	6.28	2.71	6.21	6.60	4.50	6.00	3.78	5.71
84	AE16	6.10	3.36	5.22	5.78	6.14	2.40	4.95	4.43
85	NN18	6.02	3.43	5.02	5.91	5.95	2.57	4.91	4.22
86	NN19	6.05	2.86	5.67	6.16	6.05	2.22	5.59	4.14
87	AN18	5.60	3.91	3.84	5.19	3.48	4.53	3.81	5.26
88	NN20	6.02	3.47	5.14	5.83	6.05	2.34	4.95	4.24
89	AN19	5.28	3.83	4.00	4.84	2.84	4.03	3.88	4.83
90	AN20	6.22	2.81	5.45	6.12	4.03	5.31	4.53	5.52
91	AE17	6.26	2.97	5.60	6.00	5.91	2.40	5.24	4.24
92	AE18	6.17	2.98	5.28	5.97	4.83	2.95	5.00	4.91
93	NP19	6.31	2.79	6.10	6.31	4.59	6.14	4.03	5.62
94	AN21	5.21	4.24	4.26	4.67	3.41	3.74	4.38	4.59
95	AP17	6.24	2.91	5.22	6.17	5.60	6.16	3.16	5.71
96	AP18	6.14	3.31	5.47	6.17	6.03	6.10	3.83	5.76
97	AP19	6.16	3.14	5.59	6.22	5.66	6.19	3.21	5.69
98	AN22	6.07	3.34	5.10	5.93	4.26	5.55	4.31	5.93
99	NN21	6.29	3.12	5.60	5.78	3.81	2.22	5.97	4.21
100	NP20	6.29	3.40	5.93	6.29	5.41	6.19	4.53	6.03
101	AE19	6.28	3.48	5.03	5.79	5.10	3.34	4.81	4.74
102	AP20	6.28	3.38	5.55	6.31	5.47	6.14	4.07	5.72
103	AE20	6.22	3.07	5.48	5.88	5.98	2.60	5.59	4.22
104	NP21	6.12	3.57	5.09	6.17	5.57	6.02	3.53	5.81
105	NN22	6.10	3.22	5.52	5.88	5.91	2.36	5.19	4.36
106	AP21	6.16	3.34	5.17	5.74	4.84	5.90	4.03	5.81
107	AP22	5.91	3.88	4.88	5.69	4.71	5.60	3.91	5.60

108	AE21	6.10	3.34	5.28	5.90	5.78	2.33	5.34	4.36
109	AE22	6.12	3.52	5.16	5.71	5.09	2.66	5.34	4.19
110	NP22	6.14	2.93	5.95	6.31	4.52	6.00	4.40	5.72
111	AN23	5.90	3.00	5.62	5.60	3.28	4.45	4.59	5.12
112	NP23	5.86	3.64	4.84	6.17	4.50	5.55	4.43	5.50
113	AN24	6.09	3.14	5.22	6.22	3.98	5.55	3.78	5.79
114	NP24	6.29	3.05	6.14	6.38	5.24	6.22	3.12	5.88
115	NN23	6.31	3.19	5.57	5.81	5.03	2.22	5.91	4.07
116	AE23	5.74	3.78	4.53	5.21	4.62	3.03	5.12	4.62
117	AP23	5.90	3.29	4.86	5.81	5.07	6.00	3.41	5.57
118	AP24	6.05	3.38	4.91	5.98	5.41	5.78	3.45	5.60
119	AN25	6.12	2.95	5.91	5.93	2.93	4.55	3.74	5.10
120	NP25	6.17	3.10	4.83	5.76	4.26	5.64	4.03	5.55
121	NP26	6.19	3.76	4.97	6.07	5.67	6.02	2.66	5.62
122	NN24	6.12	3.12	5.47	6.12	4.52	2.45	5.64	4.28
123	AE24	5.97	3.79	5.52	5.67	4.57	2.81	4.84	4.74
124	AN26	6.21	2.97	5.28	6.00	3.52	3.95	4.10	5.14
125	AE25	6.03	3.43	4.95	5.50	5.34	2.41	5.28	4.34
126	NN25	6.07	3.34	5.34	5.72	4.38	2.60	5.47	4.36
127	AP25	5.84	3.78	4.64	5.76	5.05	5.93	3.90	5.59
128	NN26	6.10	3.57	5.17	5.79	5.88	2.14	5.76	4.19
129	AP26	6.10	3.07	5.19	5.67	5.41	6.07	2.48	5.74
130	NN27	6.14	3.43	5.43	5.79	4.12	3.05	5.22	4.43
131	AE26	6.17	2.93	5.90	5.90	5.40	2.67	5.10	4.69
132	NP27	6.09	3.71	5.29	6.19	4.66	5.93	2.81	5.86
133	AP27	6.22	3.36	5.41	6.19	5.33	5.78	5.10	5.93
134	AN27	6.22	2.97	5.97	5.86	3.14	4.12	3.95	5.07
135	AE27	6.03	3.17	4.83	5.74	5.47	2.47	5.07	4.67

136	AE28	6.12	3.31	5.21	5.79	5.12	2.57	5.55	4.84
137	AP28	6.02	3.38	5.45	5.86	5.05	5.79	3.83	5.78
138	AP29	6.07	3.48	5.41	5.84	5.10	5.76	2.79	5.90
139	NP28	5.98	3.64	5.31	6.10	4.86	6.10	3.78	5.64
140	AE29	6.19	2.97	6.14	5.69	4.52	2.10	5.67	4.22
141	AN28	6.05	3.50	4.41	5.55	3.98	3.90	4.76	4.47
142	NN28	6.19	3.26	5.76	5.69	4.28	2.02	5.72	3.88
143	NP29	6.34	3.59	5.24	6.22	4.79	5.40	3.95	5.55
144	AN29	6.00	3.50	5.00	5.97	3.86	5.22	4.50	5.52
145	NN29	6.00	3.40	5.03	5.84	5.34	2.31	5.43	4.24
146	NP30	5.38	3.97	4.03	5.59	4.10	5.55	3.10	4.00
147	AN30	5.66	3.52	4.45	5.66	3.41	4.66	3.97	4.93
148	AE30	5.72	3.38	4.86	5.79	6.00	2.97	5.59	4.17
149	AE31	5.90	3.45	4.93	6.14	5.66	3.03	4.97	4.28
150	NN30	5.83	3.28	5.69	5.55	3.59	2.79	5.48	3.79
151	NP31	5.93	3.14	5.48	5.93	5.45	5.86	5.41	4.69
152	NP32	5.66	3.52	5.10	5.66	3.90	5.48	3.69	5.21
153	AE32	5.52	3.86	4.79	5.24	5.14	2.59	5.28	3.55
154	NN31	4.86	3.93	4.41	5.07	5.00	3.07	4.31	3.62
155	AP30	5.59	3.86	4.93	5.83	4.76	5.66	3.55	4.97
156	AN31	5.59	4.07	4.34	5.41	3.52	4.45	4.07	4.72
157	AN32	5.72	3.69	4.90	5.66	3.28	4.31	3.90	4.86
158	AP31	6.03	3.59	4.79	5.93	5.45	6.03	4.10	5.38
159	AP32	5.76	3.41	5.03	5.83	6.10	5.83	4.07	5.48
160	NN32	5.72	3.45	4.48	5.69	3.83	2.48	5.34	3.72
161	NN33	6.00	3.14	4.76	5.93	4.72	2.86	5.24	3.79
162	NP33	5.55	2.66	5.90	6.24	3.52	5.55	2.34	5.14
163	NN34	5.72	3.07	4.52	5.66	3.48	2.93	5.17	4.10

164	NP34	5.79	3.76	4.55	5.69	4.31	5.76	4.14	5.07
165	NP35	5.83	3.21	5.72	5.93	3.72	5.34	3.52	4.79
166	NN35	5.76	3.52	5.24	5.52	3.93	3.07	5.31	3.45
167	AP33	5.97	3.14	5.41	5.97	5.93	6.03	3.83	5.41
168	AP34	5.55	4.07	4.76	5.03	3.93	5.48	3.38	4.69
169	NP36	6.34	2.55	6.07	6.38	5.24	6.10	4.66	5.34
170	AN33	6.03	3.41	4.31	5.76	3.93	4.07	4.59	4.24
171	AE33	5.76	3.28	4.83	5.62	5.79	2.38	5.31	3.86
172	AE34	4.55	4.31	3.41	4.14	4.76	3.34	4.66	4.31
173	NN36	5.83	3.03	5.24	5.72	4.07	2.59	5.17	3.41
174	AE35	5.38	3.86	4.31	5.41	4.90	2.83	5.38	3.90
175	AP35	5.83	3.03	5.21	5.90	4.97	5.45	4.34	5.10
176	NN37	5.66	3.24	4.79	5.41	5.00	2.52	5.48	3.45
177	AP36	5.31	3.69	4.86	5.55	5.48	5.93	4.24	5.38
178	NP37	5.83	3.21	4.62	5.97	4.83	5.59	3.52	5.38
179	AN34	5.24	3.90	3.72	5.21	4.48	5.03	3.69	4.93
180	AN35	5.21	4.45	4.34	5.48	3.31	4.34	4.03	4.59
181	AP37	5.52	3.17	4.93	5.62	4.90	5.72	3.86	5.24
182	AN36	5.31	3.90	4.31	5.48	3.24	3.90	4.52	4.28
183	NN38	5.93	2.45	5.14	5.66	4.59	2.21	5.69	3.86
184	NP38	6.03	2.79	5.24	5.93	4.83	5.69	3.45	5.17
185	AE36	5.48	3.34	4.72	5.69	5.45	2.72	4.97	3.97
186	AE37	6.24	2.66	5.34	6.14	5.97	2.69	5.86	3.76
187	AP38	6.10	3.28	4.45	5.24	4.38	5.00	4.66	5.31
188	AN37	5.62	3.69	4.17	5.28	3.97	3.76	4.66	4.24
189	NN39	5.34	3.21	5.41	5.48	4.69	2.24	5.48	3.79
190	AN38	5.41	3.93	4.31	5.34	3.90	4.03	4.62	4.52
191	AN39	5.76	3.48	4.34	5.76	3.69	4.86	3.52	4.86

192	NN40	5.55	3.45	4.72	5.48	5.34	2.83	5.59	4.17
193	AE38	5.69	3.14	4.83	5.21	5.41	2.69	5.10	4.10
194	AP39	5.48	4.00	4.62	5.34	4.55	5.34	3.38	5.21
195	NP39	5.38	3.86	4.45	5.41	4.55	5.41	3.55	5.07
196	AE39	5.90	3.31	4.59	5.83	5.69	2.41	5.31	3.79
197	NN41	5.79	3.00	5.34	5.79	5.86	2.28	5.76	3.86
198	NP40	5.86	3.59	4.97	5.83	5.21	5.83	3.14	5.45
199	AE40	5.72	3.31	5.07	5.97	5.17	2.72	5.76	3.83
200	AP40	5.69	3.79	4.62	5.66	4.55	5.59	3.83	5.38
201	AN40	5.86	3.45	5.00	5.76	4.00	3.97	4.86	4.93
202	NN42	6.00	2.93	5.79	5.86	4.90	2.38	5.48	3.79
203	AP41	6.00	3.31	5.41	5.83	5.62	6.00	4.21	5.34
204	NP41	6.00	2.97	5.93	5.83	5.28	5.52	4.10	5.31
205	NN43	5.48	4.28	4.17	5.38	4.90	2.97	5.21	4.03
206	AE41	5.31	3.86	4.48	5.00	3.38	3.03	5.41	3.90
207	AE42	5.52	2.90	4.52	5.31	4.76	2.62	5.31	3.62
208	NP42	5.62	3.21	4.59	5.86	5.17	5.41	3.17	5.10
209	NP43	5.69	3.52	4.72	5.48	4.62	5.41	4.38	5.38
210	AN41	5.66	3.72	4.24	5.41	3.69	4.59	3.83	4.97
211	AP42	5.66	2.97	5.28	5.83	5.34	5.69	3.14	5.24
212	NN44	5.90	3.24	5.00	5.76	5.62	2.10	5.45	4.03
213	NP44	5.79	3.17	5.79	6.03	5.62	5.76	4.45	5.41
214	AN42	5.48	3.83	4.28	5.48	4.55	4.72	4.17	5.41
215	AE43	5.69	2.97	5.17	5.69	5.03	2.62	5.38	3.97
216	AP43	5.59	3.00	5.31	5.90	4.93	5.76	2.76	5.34
217	AN43	5.86	3.03	5.00	5.66	4.31	4.52	3.97	5.17
218	NP45	6.10	3.12	6.23	6.42	3.54	4.96	2.85	4.48
219	AN44	5.90	2.63	6.10	6.12	3.33	3.60	4.19	4.38

220	AN45	5.83	3.10	3.62	6.00	3.85	5.19	3.35	5.06
221	AP44	6.38	2.54	5.17	6.40	4.65	6.00	4.58	5.25
222	NP46	6.40	2.63	6.48	6.60	4.63	6.00	2.58	4.77
223	NN45	5.85	3.44	4.56	5.17	3.96	2.29	5.17	4.06
224	NN46	5.88	2.90	5.54	5.54	4.73	1.77	5.90	3.54
225	AP45	5.44	3.65	3.60	4.73	4.15	5.17	4.15	4.87
226	AE44	6.23	2.81	4.42	5.81	5.69	1.94	5.56	3.65
227	AN46	6.29	2.83	5.17	6.15	4.08	4.96	4.08	5.23
228	NP47	6.42	2.13	6.48	6.52	4.50	6.04	3.31	5.10
229	AE45	5.96	2.63	4.17	5.63	5.58	2.15	5.50	4.44
230	NN47	6.15	2.31	5.56	5.67	5.96	1.38	5.77	2.83
231	NN48	6.50	2.38	5.63	5.98	5.08	1.62	5.73	2.81
232	AN47	6.23	2.60	5.73	6.17	2.21	3.71	3.98	4.52
233	NN49	6.25	2.94	4.48	5.69	5.29	2.29	5.08	4.13
234	AN48	5.69	3.96	2.96	5.42	3.50	3.88	3.65	4.27
235	AN49	5.88	3.04	5.58	5.92	2.38	4.35	3.62	4.73
236	AE46	6.00	2.67	5.37	5.37	3.67	2.90	5.40	4.12
237	AE47	5.69	3.42	4.00	5.06	4.85	2.40	5.21	4.40
238	NP48	5.29	3.92	4.12	4.88	5.54	5.63	2.58	4.88
239	AN50	6.00	3.25	3.65	5.29	3.81	3.79	4.48	4.81
240	AP46	6.29	2.75	5.63	6.29	6.23	6.23	4.31	5.85
241	AP47	5.75	3.65	4.02	5.42	4.38	5.33	4.13	5.23
242	AP48	5.81	3.79	4.31	5.63	4.58	5.50	4.33	5.10
243	AN51	6.23	2.58	5.65	6.08	3.69	5.27	3.15	5.62
244	NN50	6.12	3.10	5.25	5.94	4.75	1.65	5.96	2.88
245	NP49	6.08	3.15	4.58	5.90	4.40	6.00	4.00	5.67
246	AE48	6.37	2.65	5.67	6.17	6.29	1.79	5.23	3.83
247	AP49	5.96	3.67	4.77	5.85	3.67	5.37	3.19	4.85

248	AE49	6.00	3.67	4.46	5.75	5.67	2.02	5.63	3.75
249	NP50	6.33	2.69	5.83	6.08	4.63	6.08	4.62	5.56
250	NN51	6.42	2.21	5.90	5.87	5.27	1.67	5.75	3.19
251	AP50	6.31	2.94	5.58	5.83	5.10	5.92	2.40	5.62
252	AP51	6.37	2.71	5.92	6.35	6.27	6.27	4.60	5.73
253	AE50	6.23	3.13	5.44	5.83	5.73	2.40	5.35	3.98
254	AE51	6.04	3.21	4.58	5.69	5.04	2.21	5.37	3.94
255	NP51	6.12	3.10	4.67	6.13	5.54	5.69	5.12	5.75
256	AN52	5.56	3.69	3.81	5.48	2.87	4.15	4.27	4.77
257	NP52	6.21	3.21	5.50	6.04	5.52	6.06	4.96	5.75
258	AP60	6.02	3.04	5.08	6.17	4.56	5.92	3.69	5.52
259	AN53	6.13	3.08	4.79	5.87	3.21	4.44	4.17	5.12
260	NP53	6.19	2.96	5.83	6.08	4.31	6.08	3.50	5.48
261	NN52	6.04	3.58	4.77	5.81	5.17	2.40	5.75	4.81
262	AE52	6.10	3.58	4.44	5.35	4.85	2.67	5.44	4.42
263	AP53	6.10	3.44	5.31	5.87	4.71	5.69	4.98	5.37
264	AP52	6.12	3.04	4.92	5.83	3.92	5.56	4.19	5.29
265	AN54	6.13	3.02	5.44	6.08	3.04	4.98	4.17	5.00
266	NP54	6.08	3.38	4.88	6.17	5.77	6.02	2.77	5.38
267	NP55	6.00	3.21	5.73	5.75	3.65	5.31	4.40	5.17
268	NN53	5.79	3.46	4.75	5.48	4.46	2.75	5.10	3.44
269	AE53	6.06	2.92	5.21	5.79	6.06	2.35	5.19	3.90
270	AN55	4.71	4.29	3.77	4.15	2.92	4.31	4.12	4.50
271	AE54	6.02	2.98	5.27	5.65	4.50	2.17	5.60	3.83
272	NN54	6.08	3.46	5.02	5.87	5.79	2.71	5.65	4.00
273	AP54	5.69	3.75	4.62	5.67	4.46	5.27	4.25	5.06
274	NN55	5.87	3.50	4.46	5.58	5.23	2.58	5.13	4.02
275	AP55	5.92	2.88	5.35	6.04	4.27	5.77	3.40	5.33

276	NN56	5.73	3.08	5.13	5.62	4.81	2.06	5.65	3.67
277	AE55	6.02	3.21	4.71	5.73	5.13	2.58	5.19	4.35
278	NP56	6.06	2.81	5.08	5.96	4.42	5.79	4.23	5.37
279	AP56	6.00	3.42	5.33	5.73	5.77	6.00	4.65	5.29
280	AN56	5.65	3.85	4.33	5.73	3.48	4.08	4.10	5.08
281	AE56	6.08	2.94	5.40	5.85	4.31	3.46	4.17	4.67
282	AE57	6.15	2.83	5.63	5.96	6.27	2.13	5.04	4.23
283	AP57	5.98	3.10	5.52	6.08	5.33	6.06	4.77	5.37
284	AP58	6.27	2.87	5.90	6.04	5.62	6.13	3.96	5.60
285	NP57	5.77	3.81	4.48	5.48	4.69	5.40	2.69	5.40
286	AE58	5.94	3.40	5.04	5.67	5.12	2.40	5.29	4.63
287	AN57	6.00	3.27	4.94	5.71	4.10	5.29	4.29	5.25
288	NN57	5.96	3.02	5.31	5.69	5.38	2.48	5.69	3.71
289	NP58	6.13	3.38	5.37	5.87	5.48	6.13	2.17	5.62
290	AN58	5.58	3.92	4.25	5.29	3.52	3.98	4.44	4.48
291	NN58	6.08	3.12	5.37	5.83	4.63	2.23	5.65	3.67
292	AN59	5.52	3.88	4.67	5.47	3.73	3.71	4.18	4.51
293	AP59	5.86	2.98	5.10	5.90	5.31	5.88	4.66	5.60
294	AE59	5.54	3.58	4.72	5.20	5.54	2.62	5.52	4.18
295	AN60	4.96	4.00	3.72	4.86	3.44	4.02	4.16	4.66
296	NP59	5.48	3.74	4.24	5.42	4.00	5.38	4.14	5.22
297	NN59	6.16	2.62	5.32	5.64	5.40	1.76	6.06	3.02
298	NN60	5.78	3.48	4.88	5.18	4.86	1.98	5.78	3.58
299	NP60	5.86	3.34	5.04	5.64	4.78	5.68	3.62	5.30
300	AE60	5.84	2.98	5.08	5.70	5.68	2.24	5.84	3.60
301	NP61	5.32	3.52	4.52	5.32	5.20	4.88	4.84	4.76
302	AP61	6.04	2.36	5.44	6.12	5.08	5.20	4.80	5.80
303	NP62	6.44	3.12	5.88	6.64	6.76	4.56	4.80	4.16

304	NN61	6.24	2.68	4.08	6.16	4.28	1.96	5.44	4.08
305	NN62	6.24	2.84	5.56	6.32	3.60	2.12	5.24	3.84
306	AP62	6.24	3.52	6.20	6.48	6.32	6.40	2.96	4.92
307	AE61	6.52	2.92	6.24	6.16	6.68	1.60	5.08	4.00
308	NP63	6.04	2.80	6.28	6.24	1.68	4.84	3.36	5.12
309	AE62	6.12	3.04	4.84	6.16	5.28	2.68	3.68	4.60
310	NN63	6.28	2.56	5.52	6.12	4.88	2.28	4.88	3.80
311	NN64	5.88	3.20	4.44	5.60	5.16	1.60	5.28	3.64
312	NN65	6.08	3.36	3.88	5.64	3.76	2.36	4.40	4.16
313	AE63	6.40	2.88	4.88	5.84	5.40	2.20	5.16	4.12
314	AE64	5.80	3.64	4.44	6.04	5.32	2.56	5.08	4.08
315	NP64	6.48	1.96	6.76	6.56	3.80	6.16	3.16	5.60
316	AP63	5.72	3.60	4.24	5.96	3.64	4.92	3.52	5.60
317	AP64	6.48	3.00	4.96	6.28	4.52	5.44	4.32	5.76
318	AP65	6.60	2.84	5.60	6.52	5.60	5.84	4.96	5.92
319	NN66	6.28	3.36	4.80	6.32	5.40	1.76	5.96	3.20
320	AE65	6.28	2.76	5.12	5.96	4.88	2.00	5.36	3.84
321	AP66	6.32	3.08	5.64	6.44	6.00	6.44	3.52	5.88
322	AE66	5.96	2.84	4.12	6.08	4.00	2.64	4.96	4.00
323	NP66	5.48	3.16	4.68	6.16	3.84	4.60	4.08	4.56
324	AP67	6.64	2.72	5.40	6.48	5.20	5.88	4.20	6.32
325	AE67	6.40	3.36	5.24	5.92	5.56	2.32	4.68	3.48
326	AE68	6.20	3.48	4.48	5.96	3.64	3.12	4.20	4.28
327	NP67	5.80	3.36	4.68	5.52	5.68	6.04	4.40	5.24
328	NP68	6.44	1.96	6.36	6.56	4.44	6.08	4.16	5.60
329	NP69	6.36	3.16	5.36	6.24	3.84	5.72	4.08	5.72
330	NN67	6.28	3.36	5.40	6.40	5.52	2.28	5.12	3.48
331	AE69	6.00	3.28	5.04	6.08	4.36	2.96	4.52	4.00

332	NP70	6.24	3.32	5.52	5.84	4.56	5.56	5.04	5.32
333	NP71	6.24	2.72	5.88	6.12	3.36	4.64	4.80	5.08
334	NN68	6.32	3.00	5.52	6.28	5.24	2.24	4.88	3.56
335	AE70	6.40	2.48	5.00	6.04	2.52	3.04	4.20	4.56
336	AE71	6.36	2.92	5.64	6.20	5.28	3.16	4.48	4.00
337	NN69	6.24	2.04	5.48	6.24	4.28	2.48	5.24	3.52
338	NN71	6.28	2.72	5.92	6.32	6.56	1.76	5.28	3.76
339	NN72	6.12	3.00	5.64	6.40	2.32	3.40	4.52	4.48
340	AE72	5.80	3.88	5.00	5.84	4.24	3.28	4.24	4.56
341	AE73	6.12	2.60	4.60	5.92	5.76	1.64	5.24	4.08
3421	AE74	6.08	3.24	4.36	5.76	3.28	3.08	4.04	4.36
343	AE75	5.44	2.96	4.08	5.28	4.28	2.20	4.68	4.21
344	AE76	6.00	3.20	4.64	5.48	4.20	2.92	3.84	4.56
345	AE77	6.16	2.68	5.04	6.00	3.60	2.88	4.56	3.88
346	AE78	6.08	3.08	4.72	5.88	4.56	2.76	5.00	4.36
347	AE79	6.08	3.20	5.56	6.28	5.48	2.72	4.00	4.56
348	AE80	6.20	3.12	5.44	6.04	5.08	1.84	4.88	3.92
349	NP55	6.40	3.00	5.24	6.24	5.44	2.04	5.16	3.52

Note.: Line 2-Line 73 Data A. Line74- 146 Data B. Line 75-218 Data C. Line 219-301 Data D. Line 302-350 Data E